

HUMAN HEALTH

ENVIRONMENTAL HEALTH

ЭКСПРЕСС-РЕШЕНИЕ ПОДГОТОВКИ БИБЛИОТЕК ДЛЯ NGS

Ключевым моментом для получения качественных результатов секвенирования нового поколения (NGS) является воспроизводимость при подготовке образцов. Автоматизация подготовки образцов повышает качество NGS библиотек, что позволяет снизить стоимость исследования в целом и избежать утомительных повторяющихся процедур раскапывания и ошибок оператора.

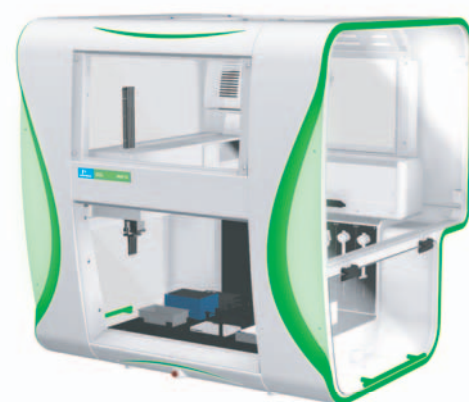
JANUS G3 NGS Express™ Workstation – это настольная роботизированная платформа для подготовки NGS библиотек для лабораторий, не требующих высокой пропускной способности. Станция разработана для подготовки до 24 NGS библиотек, как дополнение к небольшим настольным секвенаторам – таким, как Ion Torrent PGM™ and MiSeq®.

Интуитивный интерфейс легко позволяет пользователю выбирать требуемый протокол процедуры, необходимые параметры рабочей платформы и отслеживать статус выполнения процедуры. Опциональный защитный корпус помогает не только минимизировать контаминацию образцов, но и визуально отслеживать статус процедуры по световой индикации.

Для JANUS G3 NGS Express™ Workstation разработано уже более 20 протоколов автоматизации подготовки библиотек для наборов реагентов различных производителей. Список протоколов постоянно расширяется. С учетом накопленного опыта, протоколы обновляются и оптимизируются для обеспечения качественной подготовки образцов.

NGS приложения для станции JANUS G3 NGS Express™ Workstation:

- Подготовка фрагментных библиотек
- Целевое обогащение
- Подготовка ампликонов для сиквенса
- Нормализация образцов



Автоматизированная станция
пробоподготовки образцов
для секвенирования нового поколения
JANUS G3 NGS Express™ Workstation

 **Pribori Oy**

109028, г. Москва,
Певческий пер., д. 4, стр. 1
Тел.: +7 495 937 4594
Факс: +7 495 937 4592
E-mail: info@pribori.com
Web Site: www.pribori.com


PerkinElmer®
For the Better

Гибкий и интуитивно понятный программный модуль Janus Application Assistant обеспечивает быстрый доступ к требуемому протоколу автоматизации, используя интерфейс мастера визуальных настроек.



Для начала анализа необходимо выбрать протокол, ввести требуемое количество образцов и выбрать тип исходной ДНК.



С помощью всплывающих подсказок и проверочных операций программный модуль Application Assistant покажет требуемый набор и порядок расположения лабораторных принадлежностей на платформе.



На экране монитора будут отображаться все этапы протокола с указанием временных рамок, позволяя пользователю отслеживать, какой конкретно этап выполняется в текущий момент.



Процедуры по извлечению подготовленных образцов и очистке рабочей станции детализируются в подтверждающем проверочном листе.

По завершению протокола создается полный отчет с информацией о выполненных этапах и времени выполнения.

Автоматизированное решение пробоподготовки для секвенирования нового поколения от PerkinElmer позволяет проводить экстракцию, контроль качества образцов, роботизацию раскапывания, анализ фрагментов при подготовке библиотек для последующего секвенса и осуществлять анализ полученных данных.

